

## **Supporting Information for**

# **Engineering chlorophyll, bacteriochlorophyll and carotenoid biosynthetic pathways in *Escherichia coli***

**Guangyu E. Chen<sup>a\*</sup> and C. Neil Hunter<sup>b</sup>**

<sup>a</sup>*State Key Laboratory of Microbial Metabolism, School of Life Sciences and Biotechnology, Shanghai Jiao Tong University, Shanghai 200240, China*

<sup>b</sup>*School of Biosciences, University of Sheffield, Sheffield S10 2TN, United Kingdom*

**Table S1. Genes used to assemble (B)Chl and carotenoid biosynthetic pathways in *E. coli*.**

Gene	Locus	Organism	Annotation
<i>chlI</i>		<i>Synechocystis</i>	
<i>chlD</i>		<i>Synechocystis</i>	
<i>chlH</i>		<i>Synechocystis</i>	
<i>gun4</i>		<i>Synechocystis</i>	
<i>chlM</i>		<i>Synechocystis</i>	
<i>bciB</i>		<i>Synechocystis</i>	
<i>chlP</i>		<i>Synechocystis</i>	
<i>chlG</i>		<i>Synechocystis</i>	<i>a</i>
<i>acsF</i>		<i>Rubrivivax gelatinosus</i>	
<i>crtE</i>		<i>Rubrivivax gelatinosus</i>	
<i>bchN</i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	
<i>bchB</i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	
<i>bchL</i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	
<i>bchC</i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	
<i>bchX</i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	
<i>bchY</i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	
<i>bchZ</i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	
<i>bchF</i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	
<i>bchG</i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	<i>a</i>
<i>crtI<sup>Rs</sup></i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	
<i>crtB<sup>Rs</sup></i>		<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	
<i>dxs</i>		<i>Escherichia coli</i>	
<i>crtY<sup>Pa</sup></i>		<i>Pantoea agglomerans</i>	
<i>crtI<sup>Pa</sup></i>		<i>Pantoea agglomerans</i>	
<i>crtB<sup>Pa</sup></i>		<i>Pantoea agglomerans</i>	<i>cis</i>

**Table S2. Strains and plasmids described in this study.**

Strain/Plasmid	Characteristics	Source
<b><i>E. coli</i></b>		
	<i>in vivo</i>	
<b><u>Synechocystis</u></b>		
<b><u>Rba. sphaeroides</u></b>		
<i>bchP</i>	<i>bchP</i>	
<i>crtC</i>	<i>crtC</i>	
<b><u>Plasmid</u></b>		
		<i>lac</i>
		<i>lac</i>
		<i>lac</i>
	<i>Pantoea agglomerans crtE crtY crtI</i>	<i>crtB</i>
	<i>E. coli</i>	
<i>dvr</i>	<i>Synechocystis dvr</i>	<i>Nde Spe</i>
	<i>Spe</i>	<i>Bam</i>
<i>chlG</i>	<i>Synechocystis chlG</i>	<i>Nde Spe</i>
<i>bchXYZ</i>	<i>Rba. sphaeroides bchXYZ</i>	<i>Nde Spe</i>
<i>bchF</i>	<i>Rba. sphaeroides bchF</i>	<i>Nde Spe</i>
<i>bchG</i>	<i>Rba. sphaeroides bchG</i>	<i>Nde Spe</i>
<i>bchNBL</i>	<i>Rba. sphaeroides bchNBL</i>	<i>Nde Spe</i>
	<i>Nde Spe</i>	
<i>crtE</i>	<i>Rvi. gelatinosus crtE</i>	<i>Nde Spe</i>
<i>crtYIB</i>	<i>Pantoea agglomerans crtYIB</i>	
	<i>Nde Spe</i>	
<i>bchXYZFG</i>	<i>bchXYZ-bchF-bchG</i>	
	<i>chlI-chlD-chlH-gun4-chlM-acSF</i>	
<b>P1-1</b>	<i>Synechocystis chlG</i>	<i>acSF</i>
<b>P1-2</b>	<i>Rba. sphaeroides bchNBL</i>	<i>acSF</i>
		<i>Synechocystis chlP</i>
	<i>Nco Hind</i>	<i>Nde Xho</i>
<i>dvr</i>	<i>Xba Hind</i>	<i>lacI</i>
	<i>Xba Hind</i>	<i>lac</i>
<i>dvr- -chlP</i>	<i>Hind Xho</i>	<i>chlP</i>
	<i>dvr</i>	
<b>P2-1</b>	<i>Rba. sphaeroides bchNBL</i>	<i>dvr</i>
	<i>dvr- -chlP</i>	
<b>P2-2</b>	<i>Xba Hind</i>	<i>bchXYZFG</i>
	<i>dvr</i>	<i>bchXYZFG</i>

## References

*Biol.* 5

*Rhodobacter sphaeroides*  
*Acta* 1847

*Escherichia coli*  
*J. Mol. Biol.* 260

*ACS Synth.*

*Biochim. Biophys.*

**Table S3. Oligonucleotide primers used in this study.**

Primer	Sequence (5'-3')
	GGAACATATGGTGAGAACGACC GCCGT CAT
	GGAAACTAGTCATTGGTTCTCTCCCTTCCCT
	GGAACATATGCAGCCCACGTCCCCCGC
	GGAAACTAGTCATTGCGCGGCCTCCATGTC
	GGAACATATGAGTGTCAATCTATCCTTACA
	GGAAACTAGTCACGGCAGCACCTCCAGCC
	TCTCATATGAGCCTTGACCTCCGCC
	CTGACGCTGTGGACATACGAAGGCCC GCGCC ATGT
	CACATGGGGCGGGCCTCGTATGTCCACAGCGTCAG
	GCAGATCTGCCGCAAGCTCGCCAGGCCATGGAGCG
	CGCTCCATGGGCCTGGCGAGCTTGCAGATCTGC
	AGCTCATTATGCACGGTGAGCGGACGGACGGCAAG
	CTTCCGTCGGCTCCGCTCACCGTGCATAATGAGCT
	TCTACTAGTTCAATCGAAACCCAGCAACTC
	TCTCATATGAACACGATGACTCGCATCGA
	TCTACTAGTTCAAGCGGTCTGGGTGGAG
	GGCCATATGAGGGATCTGATTTAGTCGG
	GGCACTAGTCTAACCGGACGCTGCCAAAGA
	GGCAAGCTTGC GGCGCATAATGC
	GCGTAGAGGGAAACCGTTGGTCTCCCTATAGTGAGTCGTATTAGCGGTTAGAAA/
	GGCCCATGGTAACACGATGACTCGCATCGAAC
	GGCAAGCTTAAATGCGGTAGTTATCAC
	TTGTATATCTCCTCTTAAAGTTAAACAAAATTATAGTTCAAGCGGTCTGGGTGGAG
	ACTAGAAATAATTTGTTAACTTAAGAAGGAGATATACAAATGCCCTCGATCTGCCCGC
	GGAAGGTACCCCTAGATCGGGTTGGCCCGGTT